



ORGANIZZAZIONE	SEDE LEGALE	LOCALITA D'INTERVENTO	TITOLO DEL PROGETTO	CONTRIBUTO DELIBERATO (EURO)
Consiglio Nazionale delle Ricerche	ROMA	MILANO	Il ruolo del peptide amiloide $\beta$ (A $\beta$ ) intracellulare nella patogenesi della malattia di alzheimer: analisi funzionale e proteomica	305.000
Consiglio Nazionale delle Ricerche	ROMA	SEGRATE	Sindrome di Cornelia de Lange: genomica medica per la sua diagnosi e suo significato per lo studio della corretta dinamica cromosomica	155.000
Consiglio Nazionale delle Ricerche	ROMA	SEGRATE	Analisi Genomica epigenetica e trascrizionale di tumori tramite sequenziamento ultramassivo	370.000
Consiglio Nazionale delle Ricerche	ROMA	PAVIA	Genomica della progressione tumorale in un sistema cellulare modello, in collaborazione con l'Istituto di Ricerche Farmacologiche Mario Negri	300.000
Fondazione Centro San Raffaele del Monte Tabor	MILANO	MILANO	Analisi proteomica e sviluppo di metodi computazionali per la ricerca di marcatori di diagnosi precoce in pazienti di Sclerosi Laterale Amiotrofica	230.000
Fondazione Centro San Raffaele del Monte Tabor	MILANO	MILANO	I geni eIF6 ed eIF4H determinano la crescita cellulare ed animale: ricerca dei loro mediatori e validazione del loro valore diagnostico	280.000
Fondazione Centro San Raffaele del Monte Tabor	MILANO	MILANO	Analisi genetica e funzionale dei meccanismi per lo sviluppo di forme di ritardo mentale	200.000
Fondazione IRCCS Ospedale Maggiore Policlinico, Mangiagalli e Regina Elena	MILANO	MILANO	Sviluppo di una terapia cellulo-mediata per la Sclerosi Laterale Amiotrofica mediante uso delle Multipotent Adult Progenitor Cells (MAPCs)	200.000
Fondazione Istituto FIRC di Oncologia Molecolare	MILANO	MILANO	Approcci farmacogenomici per identificare targets di meccanismi d'azione di farmaci antitumorali	270.000
Fondazione Istituto FIRC di Oncologia Molecolare	MILANO	MILANO	Un metodo usando <i>C. elegans</i> per identificare nuovi geni implicati nella formazione di metastasi	115.000
Fondazione Poliambulanza - istituto ospedaliero	BRESCIA	BRESCIA	Determinazione del potenziale di rigenerazione epatica delle cellule mesenchimali staminali isolate da placenta a termine	400.000

Fondazione Telethon	ROMA	SEGRATE-MILANO	Approccio biotecnologico avanzato per la validazione e l'impiego di cellule neurali staminali mediante il pathway differenziativo Dlx-GABA	220.000
Istituto di Ricerche Farmacologiche Mario Negri	MILANO	MILANO	La nitratura proteica nella patogenesi della sclerosi laterale amiotrofica(SLA): analisi proteomica nell'uomo e nel modello murino	150.000
Istituto di Ricerche Farmacologiche Mario Negri	MILANO	MILANO	Identificazione mediante proteomica di mediatori della tolleranza ischemica nel danno cerebrale acuto	275.000
Istituto di Ricerche Farmacologiche Mario Negri	MILANO	MILANO	Genomica della progressione tumorale in un sistema cellulare modello, in collaborazione con il Consiglio Nazionale delle Ricerche	190.000
Istituto Nazionale Neurologico Carlo Besta	MILANO	MILANO	Analisi del profilo d'espressione di popolazioni neuronali purificate da topi Spg7 <sup>-/-</sup> , un modello di paraplegia spastica ereditaria	90.000
Istituto Nazionale Neurologico Carlo Besta	MILANO	MILANO	Genomica per la sclerosi multipla	440.000
Istituto Nazionale per lo Studio e la Cura dei Tumori	MILANO	MILANO	Definizione delle basi molecolari dell'efficacia di nuovi agenti chemopreventivi delle malattie neoplastiche attraverso approcci di proteomica	230.000
Policlinico S.Matteo - IRCCS	PAVIA	PAVIA	Identificazione di aplotipi ricorrenti nella regione genomica 14q32.1 correlati ai livelli plasmatici di alfa1-antitripsina e a rischio di BPCO	114.000
Policlinico S.Matteo - IRCCS	PAVIA	PAVIA	Il proteoma del BALF in pazienti con Sclerosi sistemica o Polimiosite/Dermatomiosite: ruolo patogenetico o protettivo di alcuni fattori proteici	100.000
Policlinico S.Matteo - IRCCS	PAVIA	PAVIA	Cellule staminali mesenchimali umane (MSC): rapporti fra attività rigenerative ed immunoregolatorie	350.000
Università degli Studi di Brescia	BRESCIA	BRESCIA	ZEBRAGENE - Zebrafish come modello per lo studio di malattie genetiche umane	175.000
Università degli Studi di Milano	MILANO	MILANO	Angiogenesi e patologie correlate: zebrafish come sistema modello	155.000
Università degli Studi di Milano	MILANO	MILANO	Gli sfingolipidi nella risposta cellulare ad agenti antitumorali: un approccio genomico	75.000

Università degli Studi di Milano	MILANO	MILANO-BRESCIA	Genomica e proteomica del metabolismo glicolipidico nei processi infiammatori e fenomeni neurodegenerativi	315.000
Università degli Studi di Milano	MILANO	MILANO	Analisi genomica e proteomica di recettori accoppiati a g-proteine: nuovi target biologici per diagnosi e prevenzione delle malattie umane	294.000
Università degli Studi di Milano-Bicocca	MILANO	MONZA	Fosfoproteomica della Leucemia Mieloide Cronica (CML): ruolo della beta-catenina e di altre proteine nella progressione della malattia	110.000
Università degli Studi di Milano-Bicocca	MILANO	MILANO	Meccanismi d'induzione di tolleranza in cellule T autoreattive coinvolte nella risposta autoimmune presente nella Cheratite Erpetica Stromale	180.000
Università degli Studi di Milano-Bicocca	MILANO	MONZA	Nuovi Markers per la prevenzione del carcinoma della cervice uterina	140.000
Università degli Studi di Milano-Bicocca	MILANO	MILANO	Genomica e proteomica del processamento degli RNA messaggeri nella sclerosi laterale amiotrofica	150.000
Università degli Studi di Pavia	PAVIA	PAVIA	Identificazione di geni coinvolti nella determinazione del sesso mediante ricerca di riarrangiamenti genomici in pazienti intersessuali	105.000
Università degli Studi di Pavia	PAVIA	PAVIA	Funzioni fisio-patologiche del precursore di proteina amiloide della malattia di alzheimer: piastrine e neuroni come modelli cellulari di studio	230.000
Università degli Studi di Pavia	PAVIA	PAVIA	Miglioramento dell'efficacia clinica di un nuovo tipo di cellula staminale, i mesoangioblasti, nel modello pre-clinico della distrofia di Duchenne	205.000
Università degli Studi di Pavia	PAVIA	PAVIA	Sviluppo e caratterizzazione di nuovi farmaci antitubercolari con approcci chimico-informatici, microbiologici, molecolari e proteomici	280.000
Università degli Studi di Pavia	PAVIA	PAVIA	Meccanismi di produzione delle piastrine in modelli murini ed umani in condizioni normali e patologiche	419.530
Università Vita-Salute San Raffaele	MILANO	MILANO	Patogenesi molecolare della malattia di Parkinson: il ruolo cruciale della chinasi mitocondriale Pink	225.000
<b>TOTALE</b>				<b>8.042.530</b>